



República Argentina - Poder Ejecutivo Nacional  
"1983/2023 - 40 AÑOS DE DEMOCRACIA"

Mar del Plata, 20 de setiembre 2023

## Vigilancia continua de variantes de SARS-CoV-2 en la Región Sanitaria VIII de la Provincia de Buenos Aires. Actualización 28/09/2023

### Resumen:

Se lleva adelante la vigilancia de variantes de SARS-CoV-2 en el Laboratorio de Diagnóstico y Referencia del Instituto Nacional de Epidemiología, Juan Héctor Jara-ANLIS, mediante secuenciación de genomas completos de SARS-CoV-2 por secuenciación de nueva generación (NGS).

- Se obtuvieron **20 genomas completos**, correspondientes a casos **ARN positivos** para **SARSCoV-2** con Ct < 30 analizados en el período **enero a setiembre 2023**.
- Se detectó **VOC Ómicron** en el **100% de los casos**.
- Los principales linajes/sub-linajes de **Variante de Preocupación (VOC) Ómicron** obtenidos fueron: **BA.1.1 (5%); BQ.1.1 (5%); BQ.1.1.4 (14%); BQ.1.1.76 (5%); CH.1.1.3 (5%); EG.11 (5%); FE.1.1 (5%); FL.3 (5%); XBB.1.18.1 (5%); XBB.1.5.10 (14%); XBB.1.5.56 (5%)**.
- En la **Región Sanitaria VIII de la Provincia de Buenos Aires**, en el marco de la **vigilancia activa de variantes** se han analizado un **total 782 muestras** sospechosas de COVID-19 en el periodo de enero-setiembre 2023, **70** fueron Detectables para SARS-CoV-2 (8.9 %) y 20 muestras secuenciadas por Genoma completo (28.57.8% de las muestras confirmadas como SARS-CoV-2 detectable, 2.55 % de las muestras con cuadro respiratorio) y se les asignó la variante por el algoritmo NEXTCLADE.



República Argentina - Poder Ejecutivo Nacional  
"1983/2023 - 40 AÑOS DE DEMOCRACIA"

**Introducción:**

Desde el año 2022 con la incorporación de un secuenciador automático y como miembros de la Red Nacional de Genómica y Bioinformática el laboratorio del INE J. H. Jara, forma parte de la **red de vigilancia integral de genómica para SARS-CoV-2**. El propósito de este reporte es dejar registro de las variantes encontradas en la Región Sanitaria VIII, en las muestras sospechosas de COVID-19, confirmadas por RT-qPCR para SARS-CoV-2 en el periodo enero a setiembre 2023.

**Resultados:**

Localidades	No Detectables x RT-qPCR SARS-CoV-2	Detectables x RT-qPCR SARS-CoV-3	Total
MAR DEL PLATA	537	37	574
LA COSTA	117	28	145
AZUL	37	3	40
OLAVARRIA	10		10
MIRAMAR	2	2	4
BALCARCE	3		3
PINAMAR	3		3
GRAL CONESA	1		1
MADARIAGA	1		1
MAIPU	1		1
<b>Total</b>	<b>712</b>	<b>70</b>	<b>782</b>

Se seleccionaron para la secuenciación genómica por NGS, 20 muestras, se obtuvieron secuencias de genoma completo de 20 muestras-



## República Argentina - Poder Ejecutivo Nacional "1983/2023 - 40 AÑOS DE DEMOCRACIA"

El total de muestras secuenciadas pertenecen a la variante ómicron, estando distribuidas en las siguientes subvariantes:

**BA.1.1 (5%); BQ.1.1 (5%); BQ.1.1.4 (14%); BQ.1.1.76 (5%); CH.1.1.3 (5%); EG.11 (5%); FE.1.1 (5%); FL.3 (5%); XBB.1.18.1 (5%); XBB.1.5.10 (14%); XBB.1.5.56 (5%).**

En la figura I, se puede apreciar la distribución de las sub-variantes Omiron a lo largo de las distintas semanas epidemiológicas.

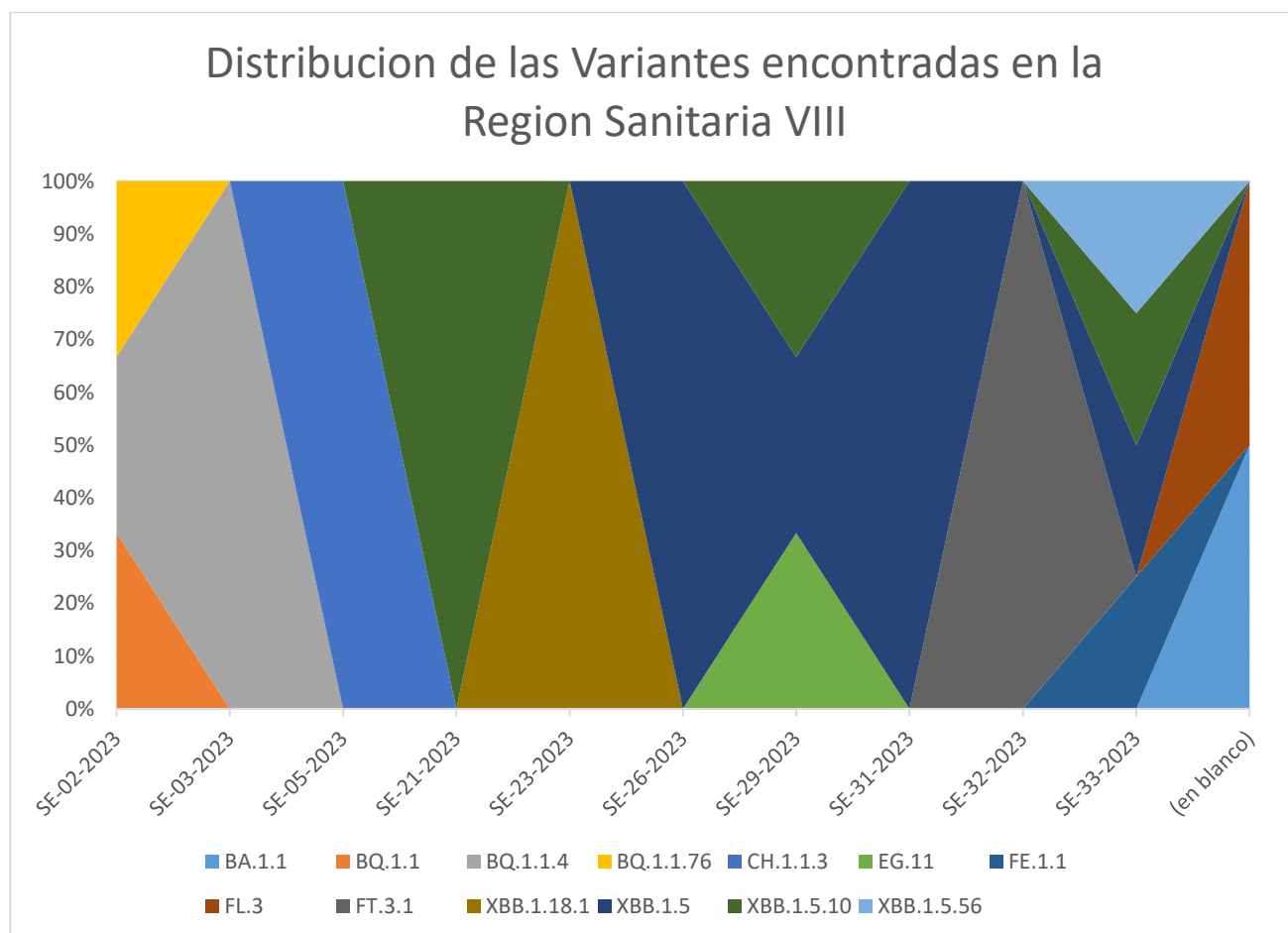


Figura I. Distribución de las Variantes del linaje Ómicron encontrados en la Región Sanitaria VIII, entre enero y setiembre 2023.



## República Argentina - Poder Ejecutivo Nacional "1983/2023 - 40 AÑOS DE DEMOCRACIA"

### Discusión:

Consideramos que el número de muestras RT-qPCR estudiadas para SARS-CoV-2 fue apropiada de acuerdo con la situación epidemiológica actual.

Si bien todas las variantes encontradas en nuestra región en el periodo de enero a septiembre del 2023 son Ómicron y pertenecen al grupo de variantes de preocupación, las variantes en las que la OMS está poniendo énfasis son las BA.4 y BA.5 que tienen la característica de ser más transmisibles que las Ómicron previas.

Desde el mes de agosto de 2023 se viene monitoreando internacionlmente la EG.5 que es un linaje descendiente de XBB.1.9.2, que tiene el mismo perfil de aminoácidos de pico que XBB.1.5. EG.5 fue reportada por primera vez el 17 de febrero de 2023 y designada como variante bajo monitoreo (VUM) el 19 de julio de 2023.

En nuestra región ninguna de estas 3 variantes mencionadas en los párrafos precedentes ha sido encontrada hasta el momento.

La OMS y su Grupo Asesor Técnico sobre la Evolución del SARS-CoV-2 (TAG-VE) continúan recomendando que los Estados Miembros priorizar acciones específicas para abordar mejor las incertidumbres relacionadas con el escape de anticuerpos y la gravedad de EG.5.

Compartir información sobre el crecimiento de EG.5 en todos los países y/o proporcionar información de secuencia (1-4 semanas).

Realizar ensayos de neutralización utilizando sueros humanos, representativos de la(s) comunidad(s) afectada(s), y aislados de virus de EG.5 vivos (2-4 semanas)

Realizar una evaluación comparativa para detectar cambios en los indicadores de gravedad rodantes o ad hoc (4-12 semanas).

Durante el periodo circulación intensa de SARS-CoV-2, desde marzo 2020 a diciembre 2022, otros virus respiratorios no fueron encontrados circulando entre las muestras recibidas en el laboratorio del INE-J. H. Jara-ANLIS. Durante 2022 y 2023, empezamos a encontrar otros virus respiratorios y coinfecciones de varios virus respiratorios.



## República Argentina - Poder Ejecutivo Nacional "1983/2023 - 40 AÑOS DE DEMOCRACIA"

Hay una fuerte reducción en el estudio de las muestras, pero el SARS-CoV-2 está circulando en la región con intensidad y hay que extremar cuidados.

### Conclusiones:

Las variantes encontradas son las mismas que están circulando en el país y al momento no revisten gravedad para la salud pública.

La circulación de virus SARS-CoV-2 está circulando y variando intensamente y requiere seguimiento en caso de aumento de la gravedad de casos, cambios en la secuencia utilizada para el diagnóstico, cambios en la respuesta a la enfermedad en personas con esquema completo de vacunación, aumento en la gravedad de los casos.

La OMS está enfocada en recabar datos de las Ómicron BA.4, BA.5, BA.2.75y EG.5. Ninguna de estas subvariantes está presente en este muestreo de la región Sanitaria VIII, a este momento.

### Participantes:

- Laboratorio de Diagnóstico y Referencia, Instituto Nacional de Epidemiología J. H. Jara-ANLIS,
- Unidad Operativa Centro Nacional de Genómica y Bioinformática:

### Agradecimientos:

Bioq. Julian Sanchez Loria por su permanente apoyo en el análisis bioinformático, Dres. Poklepovich y J. Campos por el suministro de reactivos para llevar adelante la vigilancia genómica.

Fernanda Santos e Indira Monte en la preparación de las muestras para la secuenciación y predisposición para incorporar nuevas técnicas de laboratorio.

Al personal del Laboratorio de Virología por la extracción de ARN y tipificación de virus respiratorios.